

mRNAシーケンス解析

キャンペーン

2018年11月末まで

¥ 39,000 / sample



遺伝子発現解析の決定版!! 融合遺伝子の探索、非モデル生物の解析が可能。

mRNAシーケンス (RNA-Seq)

- 転写産物を網羅的に読み取ることができるサービスです。
- 取得したデータはリファレンスにマッピングすることで、RNAの定量的なプロファイリングが可能。
- 新規遺伝子や融合遺伝子の探索も。
- 非モデル生物などリファレンスの無い生物種においても、データの取得や解析が可能。

サービス内容

- total RNA の品質チェック
- ライブラリー調製
- シーケンス
- データ解析 (別途オプション)

シーケンス条件

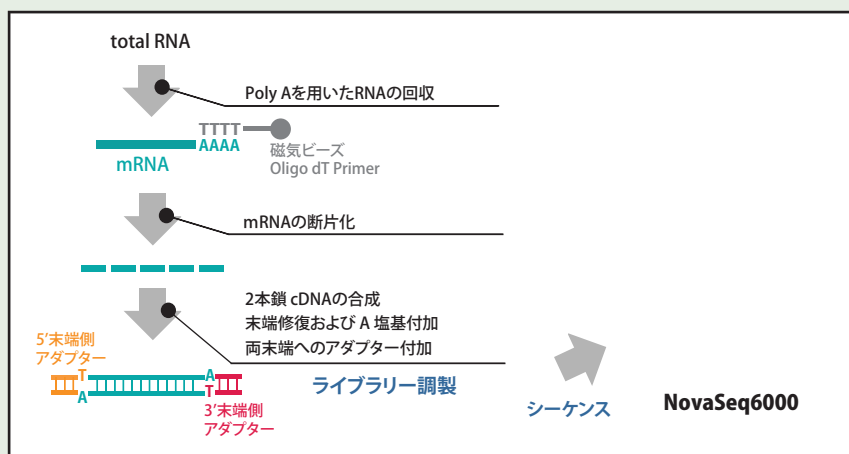
- 使用キット : TruSeq Stranded mRNA Library Prep
- 使用装置 : NovaSeq6000
- データ量 : 4Gb/サンプル, 100bp, paired end

※データ量・シーケンス条件の変更は、ご相談ください。

サンプル条件

- 形態 : total RNA
- 必要量 : 1 µg以上
- 濃度 : 20 ng / µl以上

※ 微量サンプルの場合、増幅から対応させていただきます。(別途費用が必要です)



使用するキットや取得データ量に変更のご希望がありましたら、お知らせ下さい。また、以前に取得したデータと比較を希望される場合には、使用する装置や使用するキットを揃える必要がありますので、ご相談ください。

項目名	内容	キャンペーン価格(税別)
mRNAシーケンス (シーケンスまで)	4Gb/サンプル (100bp, paired end)	¥ 39,000 (税別) / sample
データ解析	マッピング 発現値算出 発現変動比較解析	¥ 40,000 (税別) / sample

※ 納品はウェブからのダウンロードとなります。ハードディスクでの納品を希望される場合には、別途 ¥ 42,500 (税別) が必要です。



株式会社 アプロサイエンス

☎ 088-683-7211 □ info@aprosci.com

http://aproscience.com/

【徳島本社】〒771-0360 徳島県鳴門市瀬戸町明神字板屋島124-4
TEL: 088-683-7211 FAX: 088-683-7212

販売店